

Table S3: Potential NRE sites in promoter regions of StCLE4, StBEL5, StIT1, which were used for yeast-one-hybrid analyses. Ref- reference genome v6.1 for the doubled monoploid potato DM 1-3 516 R44. Highline sequences have alterations in Desiree genome.

>pCLE4_region_1_ref

TAACACTCCTATAAAGCAAGAACTCATGAAATTAATAAGCATACAAATAAATATTGATAATATA
GATATCCATATAATTATTCGTCTGAATATTTATCTTTTAGCGAATAATATATATCCATTTGTATTCA
TTTTTTAAAGAATCGATTATTCGATCACTTTAAATAGTTACTCATTTTTTATATCAAAAAGGTGCAT
TAAAAAAATTCAGGTTGACAACCTGAATAGCTAGTACTAATATAATTCTCTTTGATCAGGTCAA
ATGGCCTAAAGGGTATAATACAAAAAAGTTTGTTTTAAACAAGTTATCAAATCACTATTACACT
TTTCGTTACATTTTTTAGCACTTATCTTATTTGATTGTGAACCCACCTTGTCATAATATTATATAC
TATGAATATTTAGGACTATATATATAGTTCAATAATCACAACACAATATAACTCTCTTCATTTTCAT
GCAACCTTAGATATATATCATTAAATTATTCAAGAATTA

>pCLE4_region_1_Desiree

TAACACTCCTATAAAGCAAGAACTTATGAAATTAATACACATACAAATAAGTATTGATAATATA
ACTATTCATATAATTATTCGTCTGAATATTTATTTTTAGTGAATAATATATATCCATTTTTTCGTATT
CATTTTTAAAGAATCAATTATCCAACCTCATATCTAATGGATCAGTTTAAATAGTTACTCATTTTTA
AAACCATTTTTGCTAGGCTGCATACCAAAAAGGTGCATTAAAAAATTCAGGTTGACAACCTTGAA
TGGCTAGTACTAATATAATTCTCTTTGATCAGGTCAAATGGCCTAAAAAGTAGAATACAAAAAA
TGTTTGTTTTAAACAAGTTATCAAATCACTATTACACTTTTCTTCTCATTTTTAGCACTTTATCTTA
TTTGATTGTGAACCCCCCTTGTCATAATATTATATACTATGAATATTTAGGACTATATATATAGTT
CAATAATCACAACACAATATAACTATCTTCATTTTCATGCAACCTTAGATATATATCATTAAATTAT
TCAAGAATTA

>pBEL5_region_2_ref

CATTGTACCATTGCGTCACGCTAATATAAGTAACTTTTAAGAAGAAAGAGAGACTTTCTTACTC
ATCACATTACTTAGTCAATTTTTTTTTAAAGAAAAATCTCTTTTCCTATTTAGCAACTATTTGATT
CAAATTTCCACATAAATCTCAAATATTACAATGTTAAAAAACATTTTGAAGTATTTGATTAAAAAG
TTTTTTTTTTTTTTACTTTCTTAAATTACGTGTCAAATTAAGATGACAAACAAATTAAATTTGG
AGAGTACTAGAAAATAAGAAATTGACGATGTATAAAATTTTGTAGCTAAATAAAAAAAATTCTA
TACTAATTTTATTTAGCTACAAAATAAAGATGAATTATAAGAAAATCCAATTAGCTTGGAACGTT
TTATAAATAAATTAAGTATGAATTGTCCATAAATTCTATAGGAGAACAAAAATGTTGCCCTTA
CATCACTCCACAATTTACC

>pBEL5_region_2_Desiree

CATTGTACCATTGCGTCACGCTAATATAAGTAACTTTTAAGAAGAAAGAGAGACTTTCTTACTC
ATCACATTTACTTAGTCAATTTTTTTTTAAAGAAAAATCTCTTTTCCTATTTAGCAACTATTTGATT
CCAAATTTCCACATAAATCTCAAATATTACAATATTAAAAAATATTTTGAAGCATTGATTAAAA
GATTTAATTTTTTTACTTTCTTAAATTATGTGTCAAATCAAATAATACAAACAAATTAAATTTG
GAGAGTACTAGAAAATAAGAAATTGACGATGTATAAAATTTTGTAGCTAAATTAAATATTCTA
TACTAATTTTATTTAGCTACAAAATAAAGATAAATTATAAGAAAATTCATTAGCTCGGAACGTT
TTATAAATAAATTAGCTATGAATTGTCCATAAATTCTATAGGAGAAGAAAAATGTTGCCCTTAC
ATCACTCCACAATCTACC

>pBEL5_region_1_ref

AGATGAAACCAATAAAGATTAGCAGTACATTTTTCTTCAATTGGTTTCACAATTAATCACTTTACT
AATCGTTATCTCAGAAAGTCTATTTTAAATGTTATCTTCGTTTACTTTTACTTATTAAATTTACTAAA
AAGAAATTTAAGAAGTCATGTTTTCTTCAACGTTAATTATTTATTTTCAATTTTTTCCATTAC
CAAAAGATATACATCCATTAGTAGGAGTATCGTTATAAAATGTTTATGTCAATCATTTTTTTTTAA
AGGATCCGTAAAAATTAAATTAACAAGTAAAAATAAATGGTGGAAGTATATATATTCAATAC
ACAAAGCAGTGTACTTTCATTTCTTGG

>pBEL5_region_1_Desiree

AGATGAAACCAATAAAGATTAGCAGTACATTTTTCTTCAATTGGTTTCACAATTAATCACTTTACT
AATCGTTATTATCTCAGAACCTTCGTTTACTTTTACTTATTAAATTTACTAAAAAGAAATTTAAGA
AATCATGTTTTACCTTCAACGTTAATTATTTATTTTCAATTTTTTCCATTACCAAAAGATATACA
TCCATTAGTAGGAGTATCGTTATAAAATGTTTATGTCAATCATTTTTTTTTTAAAGGATCCGTAAA
AATTAAAATTAAACAAGTAAAAAAAAAATGGTGGAAGTACATATATTCAATACACAAAGCAGTGT
ACTTTCATTTCTTGG

>pIT1_Ref

GATCTGCCACATAACATAACAAATGGTTTCAAACGGAACATATGACTCTTAATAAAAGGTGGAG
AAGGGTTGAAAACCTTTACTAAATTTAACAAGATCTTAGGTGTGTATTTGACTCATGTTGCAAGATT
GAAGTGTATTTAAGTTCAGTTAATCAAGTAAAGAGATATTTTAAAGGTTGTCAATATATAATTCCG
AGATAAAACTAGCCTTTTGTTTCATTTGTTGAGTTTAAAATTAAGTTGATATGAAACAACAAATA
AATTGTGATCCCAAGTTTATATGAGCA

> pIT1_Desiree

GATCTGCCACATAACATAACAAATGGTTTCAAACGGAACATATGACTCTTAATAAAAGGTGGAG
AAGGGTTGAAAACCTTTACTAAATTTAACAAGATCTTAGGTGTGTATTTGACTCATGTTGCAAGATT
GAAGTGTATTTAAGTTCAGTTAATCAAGTAAATAGATATTTTAAAGGTTGTCAATATATAATTCCG
AGATAAAACTAGCCTTTTGTTTCATTTGTTGAGTTTAAAATTAAGTTGATATGAAACAACAAATA
AATTGTGATCCCAAGTTTATATGAGCA